

GenCore version 4.5
Copyright (c) 1993 - 2000 Compugen Ltd.

OM protein - protein search, using sw model

Run on: March 30, 2002, 15:58:16 ; Search time 62.57 Seconds

(without alignments)
351.378 Million cell updates/sec

Title: US-09-357-273A-2

Perfect score: 5139
Sequence: 1 MPARRLLLTLLPLGLGIR.....QPYFHPEPPPPVTPDAL 977

Scoring table: BLOSUM62
Gapop 10.0 , Gapext 0.5

Searched: 212252 seqs, 22503292 residues

Total number of hits satisfying chosen parameters: 212252

Minimum DB seq length: 0

Maximum DB seq length: 200000000

Post-processing: Minimum Match 0%

Maximum Match 100%

Listing first 45 summaries

Database :
1: Issued_Patents_AA.*
2: /cgn2_6/ptodata/2/1aa/5A.COMB.pep.*
3: /cgn2_6/ptodata/2/1aa/5B.COMB.pep.*
4: /cgn2_6/ptodata/2/1aa/6A.COMB.pep.*
5: /cgn2_6/ptodata/2/1aa/PCTUS.COMB.pep.*
6: /cgn2_6/ptodata/2/1aa/Backfile1.pep.*

Pred. No. is the number of results predicted by chance to have a
score greater than or equal to the score of the result being printed,
and is derived by analysis of the total score distribution.

SUMMARIES

Result No.	Score	Query Match	Length	DB ID	Description
1	297	5.8	793	4	US-09-588-256-10
2	294	5.7	741	2	US-08-462-481-2
3	294	5.7	741	2	US-08-436-771-2
4	294	5.7	741	2	US-08-436-771-4
5	294	5.7	741	2	US-08-434-998-2
6	294	5.7	741	2	US-08-434-998-4
7	294	5.7	741	2	US-08-487-797-2
8	294	5.7	741	2	US-08-487-797-4
9	294	5.7	741	2	US-08-701-005A-2
10	294	5.7	741	2	US-08-479-895-2
11	294	5.7	741	5	PCT-US95-02058-2
12	294	5.7	741	5	PCT-US95-02058-4
13	291	5.7	741	3	US-08-943-956A-2
14	280.5	5.5	647	2	US-08-678-039A-42
15	266	5.2	679	2	US-08-462-481-4
16	266	5.2	679	2	US-08-436-771-6
17	266	5.2	679	2	US-08-434-998-6
18	266	5.2	679	2	US-08-487-797-6
19	266	5.2	679	2	US-08-701-005A-4
20	266	5.2	679	2	US-08-479-895-4
21	266	5.2	679	3	US-08-943-956A-4
22	266	5.2	679	5	PCT-US95-02058-6
23	261.5	5.1	268	2	US-07-857-224B-20
24	261	5.1	603	4	US-09-198-122-2
25	260.5	5.1	387	1	US-08-713-828-3
26	260.5	5.1	387	2	US-08-919-627-3
27	260.5	5.1	387	2	US-09-096-245-3

28	260.5	5.1	685	2	US-08-878-989-1	Sequence 1, Appl
29	260.5	5.1	685	3	US-09-136-282-2	Sequence 2, Appl
30	260.5	5.1	685	4	US-09-272-796-1	Sequence 1, Appl
31	260.5	5.1	685	4	US-09-505-744-2	Sequence 2, Appl
32	259	5.0	544	3	US-08-559-397A-29	Sequence 29, Appl
33	258.5	5.0	388	1	US-08-713-828-5	Sequence 3, Appl
34	258.5	5.0	388	2	US-08-919-627-5	Sequence 5, Appl
35	258.5	5.0	388	2	US-09-096-245-5	Sequence 5, Appl
36	257	5.0	264	2	US-07-857-224B-19	Sequence 19, Appl
37	255.5	5.0	388	1	US-08-713-828-4	Sequence 4, Appl
38	255.5	5.0	388	2	US-08-919-627-4	Sequence 4, Appl
39	255.5	5.0	388	2	US-09-096-245-4	Sequence 4, Appl
40	255.5	5.0	795	3	US-09-031-563-23	Sequence 23, Appl
41	253	4.9	465	2	US-08-114-555A-2	Sequence 2, Appl
42	252.5	4.9	264	2	US-07-857-224B-18	Sequence 18, Appl
43	252	4.9	272	1	US-08-252-995D-14	Sequence 14, Appl
44	252	4.9	272	2	US-08-834-108-14	Sequence 14, Appl
45	252	4.9	326	3	US-08-581-918A-10	Sequence 10, Appl

ALIGNMENTS

```
RESULT 1
US-09-588-256-10
; Sequence 10, Application US/09588256
; Patent No. 6291665
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: Gaffney, Thomas
; APPLICANT: Flavier, Albert
; APPLICANT: Gates, Krista
; APPLICANT: Wendland, Juergen
; APPLICANT: Ayad-Durieux, Yasmina
; APPLICANT: Dietrich, Fred
; APPLICANT: Philippen, Peter
; TITLE OF INVENTION: Fungal Target Genes and Methods
; FILE REFERENCE: PB/5-30908A
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/09/588,256
; CURRENT FILING DATE: 2000-06-06
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 24
; SOFTWARE: Patentin Ver. 2.0
; SEQ ID NO 10
; LENGTH: 793
; TYPE: prt
; ORGANISM: Ashbya gossypii
; US-09-588-256-10

Query Match      5.8%; Score 297; DB 4; Length 793;
Best local Similarity 21.2%; Pred. No. 5.2e-17;
Matches 193; Conservative 133; Mismatches 301; Indels 284; Gaps 47;

QY 34 FVSTLD-----GSLHVS-KRTGSIKTKLKEDPVYQVTHVEEPFLDP-----NDG- 80
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
DB 38 YNSQMDLGAKSGGKMAVRKRKSGWVS--KDDGIL-----SFLQKRYMVLNDWY 86
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
QY 81 -SLYTTGSGNNBETLPTPIELVQASPCRSSDGLTWGKKODIYVYDILTGEKQRL 139
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
DB 87 LSLYKGGSGREDVVOIPLT-----STVYSRNLKONCEVWASSSRSGA 132
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
QY 140 SNAFADSLSPSTSLILGRTETITMYDRTRELNNATYFYAASLPDEGDKYKSHFV 199
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
DB 133 PAAGACGDSKSKSVFATPTE-----LDLHT-----WLDISFKCPILSGVSSPTNTHV 183
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
QY 200 SNGDGLVTVDSRGCVL-----WIONTAS--PVYAFYWMOREGLR 238
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
DB 184 HVG-----FDEPTEGSEFVMPFMEKILKHSRTIGEDMNNNSAAYQVLOFQOEYVNG-- 235
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
QY 239 KVMHIVAVETLRFLPMFSGEGRITKMKYPPKKEEASKLPTLYVGKYSLSVAPS 298
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
DB 236 -----TAPPTKQAAAGAPGR-----PPMLTSSNSQASQMOIASTPPYSGGE 281
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
QY 299 MHEGVA-----VPRGSTLPILLEGPQTDGVITGDGKGCVTTPSYDVKFDPLKSKNKL 352
```

```

Db 282 MIPQRKAPRPPKPVNTSGSAIPSAKGGPNVGT-----SPSYHHQNTQ 325
QY 353 NYLRNWTWLLGHHTETPLASTKMLERPNLPR-HRE-----NVIPADSKKS-FE 401
Db 326 H-----GKQSPPTQSP-----PKSLRPHRDEBPPTAPLGSVSSVAKTESPTE 370
QY 402 EVINLVQTSSENAPTTVSRDVEERPAHAPARPAEPAVDSMLKDMATILSTFLLIGWAFI 461
Db 371 RLNLNLSSETS-----LMQK--QLPAKPYAPPS-----VGPYA-- 401
QY 462 ITTPPLSMHQOQLOLHQOFOKELEKIOLOOQOOLPRHP--PGDTAOD-----GELLDT 513
Db 402 --PPLRL-----OPORVAPGRPAQPGPHADPTPGGPNMAKQO 437
QY 514 SGPYSESSGTSPTS-----PRASNHSICSSGSSASKGSSPS-- 551
Db 438 HGPRAAASGOLGPDSSKREBAPGHPPTAVAKKAGRPYMSNAELMTRLAIVTNTDPSPF 497
QY 552 ---LEDDGDEETSVYIVGKISFCPKD---VLGHAEGTIVYRGMEDNRDVAVKRILPE 604
Db 498 FQRIEKAQAGSAGSVYLAQRLKIPYDENGSGQHLENDNI-----GDKVAIKQMI-- 548
QY 605 CEFSPADR-----EVOLLRSDDEHPNVIR-----YFCEKROFOYIAIE-LCANTLOEIV 653
Db 549 -LSKOPRELIVEILYMKDS-QHKNIYNFLAAYLKTEDD--LWVYMEYEGSLTDVI 603
QY 654 EOKDFPHLGLPTIT-----LLOOTSGLAHLSLNVHRDLKPHNLISMPNAGKIKR 707
Db 604 ENSIGSDASSPTEPOIAIVRETGOGKFLDKHIHDKISDNVL---DTHGRVK- 659
QY 708 MISDFGLCKKLAAGRHSFSRSGVPTGEMIADEMLSE--DCKENPTYVDIFSAQCV 764
Db 660 -IDFEFCALTDKPR--SKRATMGTPYWMABEVVQREYDER-----VDWMSLC-IM 708
QY 765 YVYVSGSHPEFGSLQROANILLGACSLDCLHPEKHEDVIAREL--IEKIMADQKRP 821
Db 709 TIMLGEPEPYLNEBPLKALYLITNGTPKL--KHPELLSEIKRPLSVCLVDVAYRA 765
QY 822 SANDVLKHPFF 832
Db 766 STEELHSHFF 776

RESULT 2
US-08-462-481-2
; Sequence 2, Application US/08462481
; Patent No. 5840577
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: Silverman, Robert H.
; APPLICANT: Zhou, Almin
; TITLE OF INVENTION: Animal 2-5A- Dependent RNases and
; TITLE OF INVENTION: Encoding Sequence Therefor
; Patent No. 5840577
; NUMBER OF SEQUENCES: 5
; CORRESPONDENCE ADDRESS:
; ADDRESSEE: Ruden, Barnett, McClosky, Smith, Schuster &
; ADDRESSEE: Russell
; STREET: 200 East Broward Boulevard
; CITY: Fort Lauderdale
; STATE: Florida
; COUNTRY: USA
; ZIP: 33301
; COMPUTER READABLE FORM:
; MEDIUM TYPE: Floppy disk
; OPERATING SYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
; SOFTWARE: PatentIn Release #1.0, Version #1.25
; CURRENT APPLICATION DATA:
; APPLICATION NUMBER: US/08/462,481
; FILING DATE:
; CLASSIFICATION: 435

```

```

; PRIOR APPLICATION DATA:
; APPLICATION NUMBER: US 08/028,086
; FILING DATE: 08-MAR-1993
; ATTORNEY/AGENT INFORMATION:
; NAME: Manso, Peter J
; REGISTRATION NUMBER: 32,264
; REFERENCE/DOCKET NUMBER: CL11363-13
; TELECOMMUNICATION INFORMATION:
; TELEPHONE: 305/527/2498
; TELEFAX: 305/764/4996
; INFORMATION FOR SEQ. ID NO: 2:
; SEQUENCE CHARACTERISTICS:
; LENGTH: 741 amino acids
; TYPE: amino acid
; TOPOLOGY: linear
; MOLECULE TYPE: protein
US-08-462-481-2

Query Match 5.7%; Score 294; Db 2; Length 741;
Best Local Similarity 24.0%; Pred. No. 8.4e-17;
Matches 132; Conservative 86; Mismatches 200; Indels 132; Gaps 25;

QY 480 OKLEKIO-LLOOQOOLPRHPPGDTAODG-----ELLDTSGPYSESSG 522
Db 249 KKHGLIVORLLEQEHETI-----NDTDSDEKTLALLAVELKIKRIALLCKRGASTDCG- 302
QY 523 TSSPTSPPRASNSILCSG--SSASKGSSPSLEDDGDEETS-----VVIYG 567
Db 303 -DLVMTARRNYDLSLVKVLVSHAKEDFHPRAE--DMKQOSSHWGAALDLHRIYPMIG 359
QY 568 KISFC--PKDVLGHAEGTIVYRGMEFNDRDVAVKRILPECFSPADREVOLLRESDEHPNV 625
Db 360 KIKFIDEKIKIADTSEBGI-YLGFEYKEQVAVKTPC-EGSPRAQREVSCLQSSRNSHL 417
QY 626 IRRFCEKROFOYIAIELCATLOEY-----QKDRPHLGLPTITLLOOTSG 675
Db 418 VTFYGSSESHRGLFVCVTLCEQTLACLDVHRGEDVENEDEFAR-----NVLSSIFRA 471
QY 676 LAHLH-SLNVHRDLKPHNLISMPNAGKIKAMISDFGLCKKLAAGRHSFSRSGVPTG 734
Db 472 VOELHLSGCTYHDDLOPNLIDSKA-----AHLADFQKSIKMA-----GDP-- 514
QY 735 EGMIADEMLSEDCKENPTYVDIFSAQCVFYVYVSGSHPEFGSLQROANILLGACSLDC 794
Db 515 -----QEVKR-----DLEDGLRLVLYVVKKGSISF-EDLKAQSN----- 547
QY 795 LHPEKHEDVT-----ARELIEKIMADQKRPASNDVYKHPFFSLEKQLOFPDYSD 847
Db 548 -----EEVQVLSPDDETKDLHRLFHPCGEHNVDCJSDLGHHPFETWESRYTTLRNVG 601
QY 848 R--IEKESLDGPVIOLEGRGAVVKK--DMRENITDPLQTDLRKFRYKG--GSVRD 899
Db 602 ESDIKTRKSESELRLLOQPPSHSKSPDKTKIKIECVAKKNNKRYEKRGNFYQTVGD 661
QY 900 LLRAMRNKKHHYRELPAEARETIGLPDPEVCYFTSRPPLAHTYRAMELCSHERLEOP 959
Db 662 LKFIINLGEHIDE--EKHKMKLKIQDPSLTFQTFPDLVLYVYTKLQNTERYKHP- 717
QY 960 YTFHERPEQ 969
Db 718 -QTHSPKPFQ 726

RESULT 3
US-08-436-771-2
; Sequence 2, Application US/08436771
; Patent No. 5861300
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: Silverman, Robert H.
; APPLICANT: Sengupta, Dibyendu N.
; TITLE OF INVENTION: Antiviral Transgenic Plants, Vectors,
; TITLE OF INVENTION: Cells and Methods

```